

以遺傳學之證據釐清鱻屬與馬口魚屬之分類地位

王弘毅^{1,2} 李信徹¹ 于名振²

以同功酶的資料分析採自臺灣六條河川中的鱻屬與馬口魚屬魚類。在 13 個酵素系統中共得到 26 個基因座，78 個對偶基因。鱻屬的二個種間（粗首鱻與平頷鱻）的 Nei's 遺傳距離為 0.285，相當於屬內的分化程度。粗首鱻具有較大的口裂，較多的側線鱗片數，以及在 *mMDH*100*, *ME-1*100*, *PGI-B*100*, *PGM-1*100*, 與 *PGM-2*100* 等對偶基因上與平頷鱻有所區別。在屬間方面，若與菊池式細鱻比較，馬口魚顯然與鱻屬的二種魚類關係較遠，因此它們應為不同屬。馬口魚的嘴角有口鬚，並且在 *sAAT-1*120*, *CK-A*93*, *FH-1*80*, *FH-2*82*, *G₆PDH-1*80*, *IDHP-1*113*, *IDHP-3*120*, *ME-1*103*, *ME-2*50*, *PGM-1*120*, 與 *PGM-2*120* 等對偶基因上可明顯與鱻屬魚類有別。文中並討論鱻屬在臺灣的起源以及可能的種化時間。

關鍵詞：同功酶比較，鱻屬與馬口魚屬，河川棲地，臺灣。

¹ 中央研究院動物研究所

² 東海大學生物系

